



SEQ	ID NO:06	** MAIPVRSAAPR-RLVPSI PPASSGHV --- RGLACFGTRT GPRGARGLSMVVADSTSR
SEQ	ID NO:08	MAIPVRSAAPR-RLVPSI PPASSGHV --- RGLACFGTRT GPRGARGLSMVVADSTSR
SEQ	ID NO:17	MASALQQLQG VQKLA VMSVRRSLHHCKSQIGFAALGAPVCARRVWGNRVAFSVTTCK-
		1 60
SEQ	ID NO:06	*** * ***** ** *** ** *
SEQ	ID NO:08	AKQADGGDGV LGAPVLGGLGMEGLGDQLSVVMKFGGSSVSSAARMAEVAAGLILTFPEERP
SEQ	ID NO:17	AKQADGGDGV LGAPVLGGLGMEGLGDQLSVVMKFGGSSVSSAARMAEVAAGLILTFPEERP ---ASTSDVIEKNATENG MVSSSEGETSFTCVMKFGGSSVASADRMKEVATLILSFPEERP
		61 120
SEQ	ID NO:06	***** ** **** ** ** ** *
SEQ	ID NO:08	VVVL SAMGKT TNLL LAGEKA VGCGVIHVSEIEEWNMVKSLHIKTVDDELGLPX-ICNTSL
SEQ	ID NO:17	VVVL SAMGKT TNLL LAGEKA VGCGVIHVSEIEEWNMVKSLHIKTVDDELGLPRSVIQDML IVVLSAMGKT TNKL LLAGEKA VSCGVINVS SIEELCFIKDLHLRTVDQLGVDGSVISKHL
		121 180
SEQ	ID NO:06	***** ** ***** ** *
SEQ	ID NO:08	YELEQLLKGI AMMKELTPRTSDYLV SFGECMSTRIFSAYLN KIRVKARQYDAFDIGFIT
SEQ	ID NO:17	DELEQLLKGI AMMKELTPRTSDYLV SFGECMSTRIFSAYLN KIRVKARQYDAFDIGFIT EELEQLLKGI AMMKELTKRTQDYLV SFGECMSTRIFAAYLNKIGVKARQYDAFEIGFIT
		181 240
SEQ	ID NO:06	* * ***** ** *
SEQ	ID NO:08	DEFGNADILEATYP AVAKRLHGDWI QDP AIPVVTGFLKGWKSGAVTTLGRGGSDLTATT
SEQ	ID NO:17	DEFGNADILEATYP AVAKRLHGDWI QDP AIPVVTGFLKGWKSGAVTTLGRGGSDLTATT DDFTNADILEATYP AVAKRLHGDWL SDPAIA IVTGFLGKARKSCAVTTLGRGGSDLTATT
		241 300

FIGURE 1B

[illegible]